



**Universidad Del Sureste Medicina Humana  
Campus Comitán  
Licenciatura en medicina humana**

**Nombre del trabajo:  
Cuadro sinóptico de transcripción y traducción**

**Nombre del alumno:  
Carlos Omar Jacob Velázquez**

**Grado: 4  
Grupo: A**

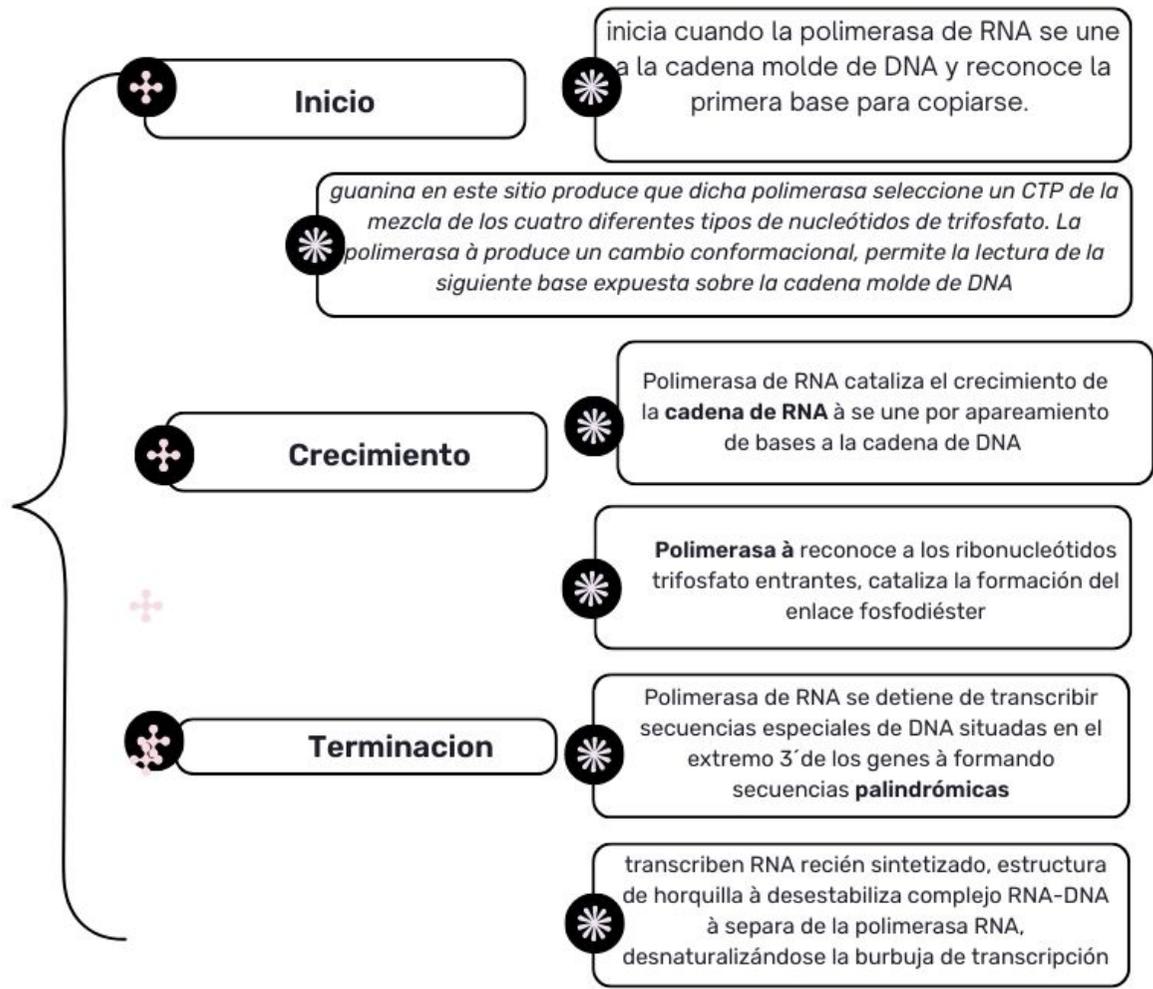
**Materia: Diseño experimental**

**Docente:**

**QFB. Hugo Najera Mijangos**

Comitán de Domínguez Chiapas a 23 de abril 2023

# Transcripción en procariontes



## Transcripción en eucariontes

⊕ **Preinici**

✱ Se reconocen por dos factores proteínicos de unión al DNA (UBF).  
Forman un doblamiento de DNA → reclutamiento de la proteína de unión a la caja TATA (TBP)

⊕ **Inicio**

✱ *Caja TATA alinea a la polimerasa de RNA a través de TFIID y otros factores*  
Promotores TATA requieren los mismos factores de transcripción TFIID

⊕ **Crecimiento**

✱ Polimerasa de RNA II utiliza los ribonucleótidos trifosfato (NTP) para la síntesis y crecimiento del transcrito hasta la señal de terminación

⊕ **Terminación**

✱ Relacionado con una secuencia TTATTT.  
RNAm se corta y se le añade un segmento de adeninas poli A

# Traducción

✚ **Código genético**

✱ *determina la relación entre las secuencias de nucleótidos en el ARNm y los aminoácidos que forman las proteínas*

✚ **Iniciación**

✱ *es el primer paso de la traducción, en el que la subunidad pequeña del ribosoma se une al ARNm en el sitio de inicio y el complejo de iniciación se forma*

✚ **Elongación**

✱ *es la etapa en la que se añaden aminoácidos a la cadena polipeptídica en crecimiento. Durante este proceso, la subunidad grande del ribosoma se une al complejo de iniciación y el ARNt transporta el aminoácido al sitio de unión en el ribosoma*

✚ **Terminación**

✱ *es la etapa final de la traducción, en la que la cadena polipeptídica se libera del ribosoma y se pliega para formar una proteína funcional.*

## Referencia

Beas Zárate, C., Ortuño Sahagún, D., & Armendáriz Borunda, J. S. (2009). *Biología molecular: fundamentos y aplicaciones*. México: McGraw-Hill Interamericana.