



Nombre de alumno:

**Edson Daniel De Leon
Dominguez.**

**Nombre del profesor: Felipe Antonio
Morales Hernández**

Nombre del trabajo: Super nota

Materia: fisiopatologia

Grado: 5to Cuatrimestre

Grupo: B

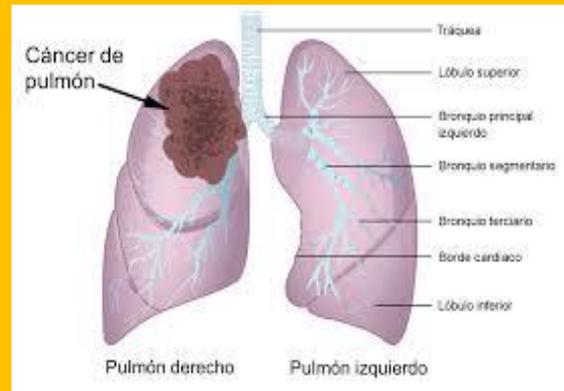
**Comitán de Domínguez Chiapas a 16 de febrero
Del 2023**

IDENTIFICACIÓN DEL DESARROLLO TUMORAL

NEOPLASIAS MALIGNAS MÁS FRECUENTES

Enfermedades en las que hay células anormales que se multiplican sin control e invaden los tejidos cercanos. Es posible que las células de las neoplasias malignas también se diseminen a otras partes del cuerpo a través de los sistemas sanguíneo y linfático.

cánceres comunes: Cáncer de colon y recto, Cáncer de endometrio, Hígado, Leucemia, Melanoma, Cáncer de páncreas, Cáncer de próstata, Cáncer de pulmón, Cáncer de riñón, Cáncer de seno (mama), Cáncer de tiroides, Cáncer de vejiga

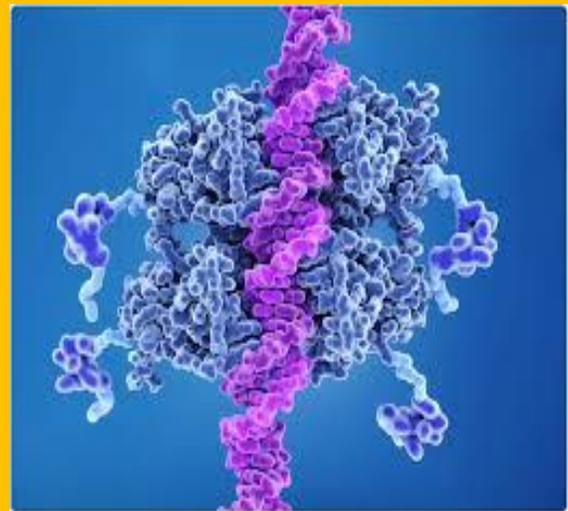


ONCOGEN

El cáncer es un desorden que resulta de cambios genéticos en la célula por mutaciones adquiridas a través del tiempo en múltiples genes o por mutaciones en genes clave que predisponen a cánceres específicos.

El oncogén es un gen anormal o activado que procede de la mutación de un alelo de un gen normal llamado protooncogén. Los oncogenes son los responsables de la transformación de una célula normal en una maligna que desarrollará un determinado tipo de cáncer.

En el ser humano se han identificado y secuenciado más de 62 oncogenes en los diferentes cromosomas del genoma, formando un conjunto muy heterogéneo de genes.



GENES SUPRESORES DEL CÁNCER

Un gen supresor de tumores codifica una proteína que actúa para regular la división celular, manteniéndola bajo control. Cuando un gen supresor de tumores es inactivado por una mutación, la proteína supresora no se produce o no funciona correctamente, y como resultado, puede producirse división celular en forma descontrolada. Dichas mutaciones pueden contribuir al desarrollo del cáncer.

Los genes supresores de tumores (GST), provienen de experimentos genéticos en células somáticas, donde la hibridación entre células cancerosas y células normales, fue no tumorigénica, lo que sugiere que la presencia de uno o varios genes de las células normales eran dominantes y capaces de suprimir el potencial tumorigénico de las células cancerosas.

