

<b>TRANSCRIPCION</b>		
<b>INICIACION</b>	<b>ELONGACION</b>	<b>TERMINACION</b>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• La RNA polimerasa II localiza el sitio promotor(TTCAGA o TATA)</li> <li>• Marca el inicio uniéndose al ADN – Complejo cerrado</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• El ARN po II se mueve hacia el extremo 5', donde se le añade una caperuza</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• La ARN po II llega a la secuencia de terminación (UAG)</li> </ul>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Al cambiar de forma, abre la doble elice – complejo abierto</li> <li>• Se forma la burbuja de transcripción de 18 nucleótidos</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Se sintetiza una cadena de ARNm en dirección 5' - 3'</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Se le añade al extremo 3' una cola poli A polimerasa</li> </ul>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Se sintetiza a partir del número 10</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Entrada de aa-tRNA al sitio a</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Reconocimiento del codón de terminación</li> </ul>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Reclutamiento del ARNm</li> <li>• tRNA iniciador en sitio P</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Formación del enlace peptídico</li> <li>• traslocacion</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Hidrolisis de la cadena pp. Del sitio P</li> </ul>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Posicionamiento en el sitio de inicio</li> <li>• Ensamblado de ribosoma</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Salida de tRNA anterior</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• El ribosoma encuentra el codón de terminacion</li> </ul>