



Universidad del Sureste

Licenciatura en Medicina Humana

Materia:

Biología Molecular

Trabajo:

investigación

Docente:

Q. Hugo Nájera Mijangos

Alumno:

Jennifer Larissa López Sanchez

Semestre y grupo: 4º "A"



Comitán de Domínguez, Chiapas a; 23 De junio del 2021

BIOLOGIA MOLECULAR DEL CANCER DE PROSTATA

perfil de expresión, algunos muestran relación entre el cáncer de próstata y factores de crecimiento (11), proteínas chaperonas y marcadores tisulares que se utilizan actualmente para la evaluación de las biopsias de próstata (8, 12).

Las alteraciones más comunes son las pérdidas en 1p, 6q, 8p, 10q, 13q, 16q, y 18q y las ganancias en 1q, 2p, 7, 8q, 18q y Xq.

Problemas para orinar., Disminución en la fuerza del flujo de la orina., Sangre en la orina., Sangre en el semen., Dolor de huesos., Pérdida de peso sin intentarlo., Disfunción eréctil.

En pacientes con cáncer prostático el gen hK2 se expresa de 5 a 10 veces más que el PSA y se ha demostrado que su medición es capaz de detectar cáncer prostático

Crioterapia. Se coloca una sonda especial dentro o cerca del tumor en la próstata para congelar y destruir las células cancerosas. · Quimioterapia

BIOLOGIA MOLECULAR DEL HIV

El VIH, como cualquier otro retrovirus, posee un genoma de ARN de cadena simple (ss) que depende de una sola enzima, la retrotranscriptasa, para convertir su ARN genómico en ADN (provirus) que es posteriormente integrado en el genoma celular.

son parte de la partícula viral (Vif, Vpr, Vpx), regulan directamente la expresión génica viral (Tat, Rev) o interactúan con la maquinaria celular para facilitar la propagación del virus (Vpu, Nef). Estas proteínas adicionales incrementan la complejidad de la organización y expresión del VIH. Se ha propuesto que los lentivirus

Fiebre., Dolor de cabeza., Dolor muscular y articular., Erupción., Dolor de garganta y llagas dolorosas en la boca., Ganglios linfáticos inflamados, principalmente, en el cuello., Diarrea.

Pérdida de peso.

La reacción en cadena de la polimerasa (PCR) es el método de elección para el diagnóstico molecular de la infección por el VIH.

BIOLOGIA MOLECULAR DE HCV (VIRUS DE HEPATITIS C)

al es el caso de los elementos que funcionan como sitio interno de entrada al ribosoma y que, por tanto, diferencian la traducción del genoma viral de la que tiene lugar para los ARNm celulares. El sitio interno de entrada al ribosoma elimina la necesidad de una estructura 5'cap o de un extremo 5' libre en el mensajero de traducción. El sitio interno de entrada al ribosoma comprende los nt del 44 al 354 del genoma viral, solapándose con los primeros 13 nt de la región codificante. A continuación de la región 5' no traducida, el genoma del VHC contiene un marco abierto de lectura que codifica una poliproteína de aproximadamente 3000 aminoácidos (aa). Este precursor proteico es procesado cotraduccionalmente y postraduccionalmente por una combinación de proteasas virales y del hospedero, rindiendo al menos 10 proteínas individuales. Del extremo N-terminal al C-terminal se ubican las proteínas: C, E1, E2, p7 (proteínas estructurales), NS2, NS3, NS4A, NS4B, NS5A, NS5B (proteínas no estructurales).

ictericia, junto con fatiga, náuseas, fiebre y dolores musculares. Los síntomas agudos aparecen de uno a tres meses después de la exposición al virus y duran de dos semanas a tres meses

Las pruebas serológicas de detección de anticuerpos contra el VHC y las pruebas moleculares basadas en la reacción en cadena de la polimerasa (PCR, del inglés Polymerase Chain Reaction) son los métodos eficaces de diagnóstico de esta infección.

BIBLIOGRAFIA

http://www.scielo.org.mx/scielo.php?script=sci_arttext&pid=S0186-48662018000300012

https://scielo.isciii.es/scielo.php?script=sci_arttext&pid=S0004-06142010000100001

https://scielo.isciii.es/scielo.php?script=sci_arttext&pid=S0034-79732003000100001