

UNIVERSIDAD DEL SURESTE ESCUELA DE MEDICINA

MATERIA:

FARMACOLOGIA

CATEDRÁTICO:

DR. NATHANAEL EZRI HERNADEZ PRADO

PRESENTA:

ESTEFANY BERENICE GARCÍA ANGELES

TRABAJO:

PREGUNTAS

GRADO Y GRUPO:

3 ° B

LUGAR Y FECHA:

COMITÁN DE DOMÍNGUEZ, CHIAPAS. 07 DE DICIEMBRE DE 2020

¿Cuál es el mecanismo de resistencia antibiótico que utilizan las bacterias?

Las bacterias resistentes a los antimicrobianos está relacionado con la introducción de antibióticos para uso clínico o agrícola, y se espera que el tratamiento de patógenos humanos / animales con antibióticos afecte directamente la frecuencia de resistencia a esos antibióticos en estos patógenos, las bacterias sintetizan enzimas que hidrolizan al antimicrobiano, destruyendo su acción antibacteriana, sin tener posibilidad de actuar sobre el microorganismo. Beta-lactamasas: son enzimas que hidrolizan la unión peptídica endocíclica del anillo beta-lactámico

¿Cómo ha interactuado la evolución ecológica dinámica para provocar la resistencia antibiótica?

Las especies para adaptarse a las condiciones ecológicas se ha comprendido desde hace mucho tiempo, el efecto del cambio evolutivo rápido sobre la dinámica ecológica aún se conoce poco. En parte, esto se debe al hecho de que, tradicionalmente, la evolución se ha considerado un proceso lento que opera en una escala de tiempo muy diferente del tiempo ecológico.

¿Cuáles son los principales métodos de análisis molecular para determinar la resistencia antibiótica?

El análisis metagenómico basado en la secuenciación de ADN de alto rendimiento es esencial para comprender la dinámica ecoevolutiva de la resistencia a los antibióticos

La PCR cuantitativa también es una herramienta útil para cuantificar genes de resistencia a antibióticos. La secuenciación de genomas de células individuales permite un análisis genético detallado de la célula microbiana sin cultivo y, por lo tanto, es un método vital para estudiar la evolución de la resistencia a los antibióticos en comunidades naturales.