



Universidad del Sureste
Escuela de Medicina

Materia:
Farmacología

DR. Ezri Natanael Prado Hernández

Presenta:
Fátima Andrea López Álvarez
3* B

Lugar y fecha
Comitán de Domínguez Chiapas a 07/01/21

¿Cuál es el mecanismo de resistencia antibiótico que utilizan las bacterias?

R= HGT es el proceso por el cual las células bacterianas pueden intercambiar material genético. Los genes de resistencias a los antibióticos a menudo se transportan en MGE que actúan como vectores que transfieren información genética entre las bacterias e incluso entre los límites de las especies.

¿Cómo ha interactuado la evolución ecológica dinámica para provocar la resistencia antibiótica?

R= Entornos naturales, las bacterias se albergan genes de resistencia a los antibióticos forman parte de comunidades complejas donde interactúan con otras especies, la propagación de genes de resistencia a antibióticos a través de HGT, las comunidades microbianas pueden verse como redes de intercambio de genes donde la composición y diversidad de especies pueden ser un factor importante que determina como se propagan los genes de resistencia, los estudios recientes sugieren que ciertas especies son centrales fundamentales, que promueven la propagación de genes de resistencia a los antibióticos.

¿Cuáles son los principales métodos de análisis molecular para determinar la resistencia antibiótica?

R= El desarrollo de técnicas moleculares ha sido crucial para aumentar la evolución de la resistencia a los antibióticos, el análisis metagenómico basado en la secuenciación de ADN de alto rendimiento, Tecnologías y secuenciación de lectura larga como PacBio RS son importantes ya que facilitan el ensamblaje de contigs largos facilitando así la identificación de áreas genómicas bajo la selección, La PCR cuantitativa también es una herramienta útil para cuantificar genes de resistencia a antibióticos, ArrayqPCR es un método eficaz para estimar la presencia y la cantidad de genes de resistencia a antibióticos en diferentes entornos,