


- 
- **Materia:** zootecnia de bovinos
  - **Docente:** Villafuerte Aguilar ana Gabriela
  - **Licenciatura:** medicina veterinaria y zootecnia
  - **Cuatrimestre:** 6 to.
  - **Nombre del alumno:** Axel adrian altuzar Alvarado

Estas alteraciones pueden ser a nivel de un solo gen, varios genes (poligenes) o muchos genes (cromosomas; como las trisomías o monosomías). La alteración genética puede producir directamente la enfermedad o bien determinar la resistencia o susceptibilidad a padecerla.<sup>1</sup> Estas alteraciones congénitas tienen una frecuencia 1 al 3 por ciento

Por lo que la posibilidad que aparezca es muy remota. A menos que la familia o línea sea portadora de la misma y se manifieste cuando se tenga una unión recesiva homocigótica, ya que en genes dominantes nunca se presentara. Otro factor que hace que se presentan son los cruzamientos consanguíneos de un programa de mejoramiento genético que aumentan la probabilidad

Actualmente las Asociaciones Ganaderas con las pruebas de diagnóstico genético se puede determinar si son portadores o no de la enfermedad genética. Una muestra de esto es que usualmente se repiten en una misma familia y los padres

Cuando en una misma parición nace más de un ternero con defectos congénitos de origen genético, sus madres posiblemente están emparentadas (por ejemplo, son medio hermanas) y han sido servidas por el mismo toro

para corregir esta situación hay que hacer cambios en la asignación de los servicios. Viendo los catálogos de sementales presentan reservas y claves de portadores o no portadores de tal defecto genético u otro. Como se muestra en el siguiente cuadro con sus códigos y alteraciones que sean identificado en el ganado.

En la actualidad una serie de tecnologías a incrementado la mejora genética de manera exponencial ya que se están utilizando tecnologías que en un principio calificaba los caracteres cuantitativos (EPDs, ganancias de peso, etc.) y cualitativos (aspectos físicos) del animal, ahora con la integración de marcadores y QTLs

Causas fundamentales para el desecho por causas genéticas